Parte 1:

Para calcular el rango se utiliza:

rango = max(data)-min(data)

Parte 2:

Para el cálculo del coeficiente de variación se utiliza la ecc (std(x)/mean(x)) por lo tanto:

cv=np.std(data)/np.mean(data)

Parte 3:

Para la distribución de poisson se utiliza psn = np.random.poisson(10)

De esta forma con tamaño 1000:

a = np.hstack((rng.normal(loc=5, scale=2, size=1000)))

Con tamaño 5000:

a = np.hstack((rng.normal(loc=5, scale=2, size=5000)))